**بخش تعیین توالی** DNA

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  | | | | | | تاریخ | | |  | | | | |  | | ارسال کننده | |
|  | | | | | | تلفن | | |  | | | | |  | | مرکز | |
|  | | | | | | همراه | | |  | | | | |  | | آدرس پستی | |
|  | | | | | | ایمیل | | |  | | | | |  | | کد ارسال | |
|  | | | | | | | | | | | | | |  | | مشخصات فاکتور شونده | |
|  | | |  | | | | | | | | | | | | | | |
| S | P | N | | Sample Name | Primer Name | | F | R | Primer  Con | Sample  Con | Pur | | Sample type | | Tm | | Size  (bp) |
| Yes | No |
|  |  | 1 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |
|  |  | 2 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |
|  |  | 3 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |
|  |  | 4 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |
|  |  | 5 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |
|  |  | 6 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |
|  |  | 7 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |
|  |  | 8 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |
|  |  | 9 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |
|  |  | 10 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |
|  |  | 11 | |  |  | |  | |  |  |  | |  | |  | |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
|  |  | 12 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 13 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 14 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 15 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 16 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 17 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 18 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 19 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 20 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 21 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 22 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 23 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 24 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 25 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 26 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 27 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 28 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 29 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
|  |  | 30 |  |  |  |  |  |  |  |  |  |

|  |
| --- |
| **عکس الکتروفورز** |
| **توضیحات:** |

توضیحات

**نحوه آماده سازی و ارسال نمونه ها**

* غلظت مناسب ۲۵ نانوگرم در هر میکرولیتر نمونه است. به عنوان معیار ۱ میکرولیتر از نمونه روی ژل ۱% آگارز بایستی باند قابل مشاهده ایجاد نماید.
* برای خوانش هر ۱۰۰ باز، ۱۰ نانوگرم لازم می باشد، بنابر این برای خوانش ۵۰۰ باز ارسال حداقل ۵۰ نانوگرم ضروری است. حداقل 20 میکرولیتر برای هر نمونه در تیوپ های 2/0 میلی لیتری ارسال شود.
* محصول PCR تک باند، فاقد اسمیر و تخلیص شده باشد. نمونه ها در آب ارسال شوند. نمونه های ارسالی در TE نتایج تعیین توالی مناسبی ندارند. ارسال تصاویر ژل های مربوط به نمونه ها حتما مفید است پس ارسال گردد.
* پرایمرها بایستی از غلظت مناسب ۱۰pmol/ulیا ۱۰ میلی مولار برخوردار باشند و به ازای هر بار خوانش حداقل 5 میکرولیتر پرایمر فوروارد (F)یا معکوس (R) ارسال گردد. اگر قرار باشد به طور مثال یک محصولPCRمشخص در 10 نمونه بیمار با یک پرایمر فوروارد به صورت یک طرفه خوانش شود حداقل 50 میکرولیتر پرایمر فوروارد (F) ارسال گردد.
* اگر پلیت برای خوانش دارید نمونه ها باید در پلیت های ۹۶ خانه یا تیوب های 2/0 میلی لیتری با درب بسته و پوشانده شده بوسیله پارافیلم ارسال گردند. در ضمن لازم است نام هر نمونه روی تیوب با یک لیبل خوانا و منحصر به فرد مشخص گردد تا مشابه دیگر نمونه های ارسالی نباشد.
* توصیه می گردد نمونه ها روی یخ ارسال گردند. در این صورت جهت جلوگیری از مرطوب شدن احتمالی نمونه ها، آنها را داخل کیسه/ زیپ کیپ قرار دهید. جهت ارسال با شرکت هماهنگ کنید.
* اطلاعات بیشتر در مورد شرایط شرایط آماده سازی خدمات تعیین توالی سکانس سنگر در متن فرم آورده شده است.

**شرایط سکانس مجدد**

* نمونه های ارسالی شما به سه دلیل عمده ممکن است به نتیجه مطلوب نینجامد.
* **کیفیت نامطلوب نمونه ها ارسال شده** (حجم ناکافی یا غلطت مغایر با پروتوکل اعلام شده مرکز، خطای pipetting، نشتی یا تبخیر نمونه به دلیل استفاده از ویال نامرغوب، وجود باند غیر اختصاصی، ناخالصی، مهار کننده ها و ساختار های ثانویه، وجود توالی های هترو و یا همو پلیمر)
* **طراحی یا کیفیت نامطلوب آغازگر** (طراحی نامطلوب و غیر اختصاصی پرایمر، ناخالصی های همراه پرایمر، حجمناکافییاغلطتمغایرباپروتوکلاعلامشدهمرکز)
* **خطای آزمایش** (خطای انسانی اپراتور، خطای مواد مصرفی و محلول های کاربردی، خطای دستگاه)
* در صورت عدم رضایت از نتایج حق درخواست خوانش مجددre-sequencingبرای شما فراهم است.

**برای درخواست توالی یابی مجدد به شرایط زیر دقت نمایید**

* امکان درخواستre-sequencingو یا بازگشت باقیمانده نمونه ها تا یک هفته پس از تحویل نتایج امکانپذیر است. بدلیل تعدد نمونه های دریافتی و محدودیت فضا شرکت مسئولیتی در قبال اوت شدن نمونه ها پس از این بازه زمانی ندارد.
* در صورت وجود تفاوت نتیجه سکانس مجدد با سکانس اولیه، خطای دستگاه، مواد یا اپراتور در خوانش اولیه در نظر گرفته می شود و این سکانس رایگان خواهد بود.
* در صورت یکسان شدن نتیجه هر دو سکانس، خطای نمونه/پرایمر تلقی گشته و درخواست کننده هزینه سکانس مجدد (قیمت کامل سکانس) را می باید پرداخت نماید.
* در صورت اطمینان از صحت نمونه های ارسالی، امکان درخواست سکانس مجدد دوم همچنان امکان پذیر است. در صورت عدم تفاوت نتیجه هزینه دو سکانس مجدد دریافت میگردد و پس از آن سکانس مجدد دیگر قابل درخواست نیست.

dnabiotechco@gmail.com